

УДК 575.222

КОМПЛЕКСНЫЙ ПОДХОД К ОЦЕНКЕ ЧИСТОПОРОДНОСТИ, ДИАГНОСТИКИ РЕТРОВИРУСОВ И ОЦЕНКЕ УРОВНЯ ИММУНИТЕТА ПЧЕЛ В БЕЛАРУСИ

Епишко О. А.², Павлова И. Ю.³, Калашникова Л. А.³,
Калашников А. Е.¹, Халько Н. В.

¹ – Всероссийский НИИ животноводства имени академика Л. К. Эриста
Дубровицы, Россия

² – УО «Гродненский государственный аграрный университет»
г. Гродно, Республика Беларусь

³ – Всероссийский НИИ институт племенного дела
Лесные Поляны, Россия

На территории Беларуси распространены темная лесная пчела не- скольких подвидов, карпатские пчелы и пчелы импортируемых ком- мерческих южных пород (кавказской, карники и карпатской), произво- димых в России. Ранее было выявлено, что не все импортируемые пче- лы безопасны с точки зрения вирусных заболеваний [2, 3]. Был обна- ружен вирус деформации крыла на территории России [4] в 2009 г., а затем и другие РНК-содержащие вирусы в Южном регионе, в Цен- тральной России и Поволжье [3]. Также было проведено исследование генетической структуры основных популяций пчел в ряде регионов России [5]. Проблемы с обнаружением опасных для пчеловодства рет- ровирусов (ABPV, CBPV, DWV, KBV, SBV, BQCV, IAPV, SPV) давно известны в США и Европе, в т.ч. сделана количественная оценка ви- русной нагрузки при комбинативной инфекции [1]. Однако до сих пор вирусные инфекции имеют тенденцию к распространению и эфек- тивных защитных средств на иммунитет пчел не выявлено.

В Беларуси существует проблема как недостаточности данных о генетической структуре популяций пчел, полученных при помощи анализа митохондриального и ядерного геномов (анализ микросатели- тов), так и не изучено влияние вирусной нагрузки вирусов на иммуни- тет. В связи с этим является актуальным вопрос по разработке ком- плексного подхода для генетического анализа структуры популяций, наличия вирусов (качественный тест) и вирусной нагрузки (количест- венный тест), состояния иммунитета в виде единого комплексного тес- та. Такой подход нами разработан и успешно апробирован на частных и племенных пасеках в России [6] и в настоящее время активно прора- батывается на территории Беларуси. В случае низкого уровня сопро- тивляемости вирусной инфекции гибель пчел неизбежна. В случае по-

вышенного уровня такие генетические линии пород или части природных популяций будут необходимы для создания генетически устойчивых к вирусным заболеваниям пчел. Исследование механизмов, интенсивности, сопровождающих факторов такой реакции необходимо для дальнейшего формирования направленного иммунного ответа пчел на вирусные патогены.

ЛИТЕРАТУРА

1. Casadellavall A., Fang F.C., Pirofski L-a. Microbial Virulence as an Emergent Property: Consequences and Opportunities. *PLoS Pathog.* 2011. 7(7): e1002136.
2. Калашников А. Е., Масленников И. В., Колбина Л. М., Удина И. Г. Генетическая дифференциация и распространение РНК-содержащих вирусов популяций медоносных пчел *Apis mellifera* L. на территории Удмуртии. *VetPharma. J. Pharm Animals.* 2013(1): – С. 88-92.
3. Калашников А. Е., Масленников И. В., Колбина Л. М., Удина И. Г. Генетическая дифференциация популяций медоносных пчел (*Apis mellifera* L.) и распространение РНК-содержащих вирусов на фоне эпизоотии клеща *Vargaoa destructor* на территории Удмуртии. Сельскохозяйственная биология, 2013(4): 88-92.
4. Удина И. Г., Грищечкин А. Е., Калашников А. Е., Злобин В. И., Кривцов Н. И. Идентификация вириуса деформации крыла (DWV) у медоносной пчелы. Вестник Российской академии сельскохозяйственных наук, 2010(1): С. 69-71.
5. Калашников А. Е., Кривцов Н. И., Бородачев А. В., Малькова С. А., Удина И. Г. Дифференциация отечественных пород пчел по микросателлитным локусам. Наука Кубани, 2011(4): 10-15.
6. Калашников А. Е., Бурмистрова Л. А., Бородачев В. И., Масленникова В. И., Королев А. В., Гладырь Е. А. Метагеномный алгоритм создания диагностикумов для выявления РНК-содержащих вирусов пчел. Бионика (Bionics). 2016. в печати.